**《世界华人消化杂志》同行评议报告**

**期刊名称:** 世界华人消化杂志

**手稿编号:** WCJD-34905

**题目:** 基于RNA-Seq技术的先天性巨结肠转录组学研究

**审稿人ID:** 02842279

**审稿人省市:** 湖北省

**科学编辑:** Jin-Li Yan

**送审日期:** 2017-06-22

**审稿日期:** 2017-07-06

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **学术质量评级** | **语言质量评级** | **学术不端行为** | **结论** |
| [ ] A级: 优秀[ ] B级: 很好[ Y] C级: 良好[ ] D级: 一般[ ] E级: 差 | [ ] A级: 优先出版[ Y] B级: 小修[ ] C级: 大修[ ] D级: 拒绝 | 百度学术检索: [ ] 题目相同[ ] 重复发表[ ] 剽窃[ ] 没有BPG检索:[ ] 题目相同[ ] 重复发表[ ] 剽窃[ ] 没有 | [ Y] 接受[ ] 优先出版[ ] 退稿[ ] 小修[ ] 大修 |

**审稿人给作者的意见**

需进行更多样本，特别是常见型巨结肠样本分析。

**《世界华人消化杂志》同行评议报告**

**期刊名称:** 世界华人消化杂志

**手稿编号:** WCJD-34905

**题目:** 基于RNA-Seq技术的先天性巨结肠转录组学研究

**审稿人ID:** 03243578

**审稿人省市:** 上海市

**科学编辑:** Jin-Li Yan

**送审日期:** 2017-07-06

**审稿日期:** 2017-07-18

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **学术质量评级** | **语言质量评级** | **学术不端行为** | **结论** |
| [ ] A级: 优秀[ Y] B级: 很好[ ] C级: 良好[ ] D级: 一般[ ] E级: 差 | [ ] A级: 优先出版[ Y] B级: 小修[ ] C级: 大修[ ] D级: 拒绝 | 百度学术检索: [ ] 题目相同[ ] 重复发表[ ] 剽窃[ ] 没有BPG检索:[ ] 题目相同[ ] 重复发表[ ] 剽窃[ ] 没有 | [ ] 接受[ ] 优先出版[ ] 退稿[ Y] 小修[ ] 大修 |

**审稿人给作者的意见**

先天性巨结肠是一种常见儿童外科疾病。其机理病因研究甚多。早在1948年swenson发现肠神经节细胞缺如，直至近期相关分析水平研究等。均在探研发病机理。本文采用RNA-SEQ技术对先天性巨结肠症差异表达基因进行筛选找出初步定位出新的候选基因和相关分子信号通路，对进一步研究有一定意义。 有几个问题需要解释、说明、修改 1、引言中提出我国平均每年新增患者3500例，依据何在？是否官方统计？还是地区报导？ 2、高通量测序，又称“下一代”已用于肠道炎症性疾病新生儿坏死性小肠结肠炎，巨结肠炎，等多方面研究。不但有菌群改变，还有罕见病肿瘤方面研究。而作者在文中结果中从EGG分析表明近些差异表达基因参与消化吸收和代谢相关信号通路，并未提到神经发育关联。 3、本文中RNA-SEQ表达反应巨结肠肠管中肌肉、粘膜等主体的继发性改变炎性病变，能否正面反应巨结肠发病水平的机理？有问题。 4、建议：解释回答相关问题，重审。