



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

《世界华人消化杂志》同行评议报告

期刊名称: 世界华人消化杂志

手稿编号: WCJD-39728

题目: 螺杆菌属细菌致病基因系统进化分析

同行评议人 ID: 03656612

同行评议人省市: 上海市

科学编辑: 张砚梁

手稿提交时间: 2023-11-10

同行评议人开始日期: 2023-11-14 02:10

同行评议人结束日期: 2023-11-14 13:34

同行评议时间: 11 小时

学术质量评级	语言质量评级	结论	审稿人声明
<input type="checkbox"/> A 级: 优秀	<input type="checkbox"/> A 级: 优先出版	<input type="checkbox"/> 优先接受	审稿:
<input type="checkbox"/> B 级: 很好	<input type="checkbox"/> B 级: 小修	<input type="checkbox"/> 一般接受	<input type="checkbox"/> 匿名
<input type="checkbox"/> C 级: 良好	<input type="checkbox"/> C 级: 大修	<input type="checkbox"/> 小修	<input type="checkbox"/> 具名
<input type="checkbox"/> D 级: 一般	<input type="checkbox"/> D 级: 拒稿	<input type="checkbox"/> 大修	审稿人对此手稿主题 的专业经验:
<input type="checkbox"/> E 级: 差		<input type="checkbox"/> 拒稿	<input type="checkbox"/> 资深 <input type="checkbox"/> 一般 <input type="checkbox"/> 没有专业经验
			利益冲突:
			<input type="checkbox"/> 是 <input type="checkbox"/> 否

审稿人给作者的意见

本研究是针对 Hp 及其他螺杆菌属的基因进化分析, 创新性较好, 可以比较 Hp 与其他菌株在进化上的异同, 论文撰写科学性和可读性较强。建议: 1. 补充选取 Hp 菌株的依据, 为何 CagA/VacA 选取四种模式, 实际上 cagA+/vacA+ 是主要的 Hp 菌株形态, 各选 3 种是否会导致偏倚? 2. Hp 的 IV 型分泌系统是其主要的毒力作用途径, 是否有相关的基因分



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

析?

手稿初审

百度学术检索:

题目相同

重复发表

剽窃

没有

BPG 检索:

题目相同

重复发表

剽窃

没有



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

《世界华人消化杂志》同行评议报告

期刊名称: 世界华人消化杂志

手稿编号: WCJD-39728

题目: 螺杆菌属细菌致病基因系统进化分析

同行评议人 ID: 03228365

同行评议人省市: 山东省

科学编辑: 张砚梁

手稿提交时间: 2023-11-10

同行评议人开始日期: 2023-11-15 12:54

同行评议人结束日期: 2023-11-17 07:31

同行评议时间: 1 天 and 18 小时

学术质量评级	语言质量评级	结论	审稿人声明
<input type="checkbox"/> A 级: 优秀	<input type="checkbox"/> A 级: 优先出版	<input type="checkbox"/> 优先接受	审稿:
<input type="checkbox"/> Y B 级: 很好	<input type="checkbox"/> Y B 级: 小修	<input type="checkbox"/> Y 一般接受	<input type="checkbox"/> Y 匿名
<input type="checkbox"/> C 级: 良好	<input type="checkbox"/> C 级: 大修	<input type="checkbox"/> 小修	<input type="checkbox"/> 具名
<input type="checkbox"/> D 级: 一般	<input type="checkbox"/> D 级: 拒稿	<input type="checkbox"/> 大修	审稿人对此手稿主题 的专业经验:
<input type="checkbox"/> E 级: 差		<input type="checkbox"/> 拒稿	<input type="checkbox"/> Y 资深 <input type="checkbox"/> 一般 <input type="checkbox"/> 没有专业经验
			利益冲突:
			<input type="checkbox"/> 是 <input type="checkbox"/> Y 否

审稿人给作者的意见

有关螺杆菌属细菌致病基因系统 进化分析的文章 研究报告较少。至现在 PubMe 仅发表 120 篇文献。2023 年未见有新的报告。本研究结果为更好理解螺杆菌属细菌跨宿主、跨器官的致病潜能提供了系统进化证据,为研究 Hp 与 NHPH 协同感染的潜在机制提供了证据。有一定的创新和参考价值。文字有些地方欠通顺需润色。



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

手稿初审

百度学术检索:

- 题目相同
- 重复发表
- 剽窃
- [Y] 没有

BPG 检索:

- 题目相同
- 重复发表
- 剽窃
- [Y] 没有



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

《世界华人消化杂志》同行评议报告

期刊名称: 世界华人消化杂志

手稿编号: WCJD-39728

题目: 螺杆菌属细菌致病基因系统进化分析

同行评议人 ID: 03656551

同行评议人省市: 北京市

科学编辑: 张砚梁

手稿提交时间: 2023-11-10

同行评议人开始日期: 2023-11-15 12:02

同行评议人结束日期: 2023-11-20 06:59

同行评议时间: 4 天 and 18 小时

学术质量评级	语言质量评级	结论	审稿人声明
<input type="checkbox"/> A 级: 优秀	<input type="checkbox"/> A 级: 优先出版	<input type="checkbox"/> 优先接受	审稿:
<input type="checkbox"/> B 级: 很好	<input type="checkbox"/> B 级: 小修	<input type="checkbox"/> 一般接受	<input type="checkbox"/> 匿名
<input type="checkbox"/> C 级: 良好	<input type="checkbox"/> C 级: 大修	<input checked="" type="checkbox"/> 小修	<input type="checkbox"/> 具名
<input checked="" type="checkbox"/> D 级: 一般	<input type="checkbox"/> D 级: 拒稿	<input type="checkbox"/> 大修	审稿人对此手稿主题
<input type="checkbox"/> E 级: 差		<input type="checkbox"/> 拒稿	的专业经验:
			<input type="checkbox"/> 资深
			<input checked="" type="checkbox"/> 一般
			<input type="checkbox"/> 没有专业经验
			利益冲突:
			<input type="checkbox"/> 是
			<input checked="" type="checkbox"/> 否

审稿人给作者的意见

1. 文章引言太长, 建议进行适当缩减。 2. 几处写作欠规范: ①幽门螺杆菌英文缩写建议用“*H.pylori*”斜体; ②“有毒 Hp 感染”? 表述不准确; ③引言第一自然段首次出现“CagA”未标英文全称, 到倒数第二自然段标注了英文全称; ④引言倒数第二自然段出现的 pH, 全写成了“PH”; ⑤“同时, 具有高运动性的 Hp 菌株可诱导 IL-8 释放增加, 这表明调控鞭毛



**Baishideng
Publishing
Group**

7901 Stoneridge Drive, Suite 501,
Pleasanton, CA 94588, USA
Telephone: +1-925-223-8242
Fax: +1-925-223-8243
E-mail: bpgoffice@wjgnet.com
https://www.wjgnet.com

合成的基因也可能参与调控其他毒力因子，如黏附素。”缺乏引用文献，更缺乏逻辑性。 3. 幽门螺杆菌目前完成全基因组测序的菌株有很多，选择 12 株是否太少？代表性是否充分？ 4. 结果“2.2”中，共获得 44 株螺杆菌属菌株进行了分析。第 I 支 24 株螺杆菌的寄生部位均为胃，第 II 支 19 株螺杆菌的寄生部位为肝、肠和胆囊？另一株呢？随后又写到“第 II 支的 20 个菌株未发现显著的聚群。”要核对好数据。 5. 讨论中“Mannion et al [55]对 100 多个 GH 和 EHS 菌株的基因组进行了系统进化分析”，既然如此，本研究的意义呢？与文献分析的异同？本分析进一步揭示了哪些方面的问题？

手稿初审

百度学术检索:

题目相同

重复发表

剽窃

[Y] 没有

BPG 检索:

题目相同

重复发表

剽窃

[Y] 没有